

AVANCES PARA EL CONOCIMIENTO DE LAS AVES SILVESTES DE LA ARGENTINA

Redactado por Alejandro Mouchard

Los pájaros insectívoros frecuentan más los árboles nativos del talar

El análisis de la conducta de forrajeo permite determinar cómo utilizan su hábitat las aves y qué factores ambientales puedan estar influyendo sobre sus poblaciones, lo cual tiene indudable interés conservacionista. A su vez dichas conductas están determinadas en parte por la estructura y la distribución de la vegetación, que a su vez son afectadas por la acción del hombre.

Este trabajo fue realizado en el bosque costero maduro de la estancia El Destino, en Magdalena (nordeste de la provincia de Buenos Aires), mediante el estudio de cuatro especies: el piojito común (Serpophaga subcristata), el fiofio pico corto (Elaenia parvirostris), la tacuarita azul (Polioptila dumicola) y el pitiayumí (Parula pitiayumí). Se observó que la tacuarita y el pitiayumí

C. Saibene

Piojito común

detectaban y capturaban sus presas en el follaje mientras iban saltando entre ramitas y preferían hacerlo a la mayor altura disponible en el ambiente, es decir en el dosel dominado por los árboles más altos: el tala y el coronillo. Ambas especies vegetales fueron elegi-



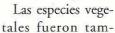
Fiofío pico corto

J. Alonso

dos por estas aves ya que su estructura de hojas pequeñas favorecía este método de captura. En efecto el coronillo fue utilizado en mucha mayor proporción a su abundancia relativa, mientras que el tala fue especialmente seleccionado por el piojito y el pitiayumí.

Por su parte, el piojito y el fiofío, acechaban sus presas desde perchas y las capturaban mediante un

rápido vuelo, haciéndolo sin elegir ningún nivel o estrato especial, sino según la altura de la vegetación disponible en el lugar, aunque los niveles medios los favorecerían al permitirles desarrollar mejor sus vuelos de captura.



Tacuarita azul

R. Guller

bién seleccionadas por las aves según las características de su follaje: así el ligustro fue evitado posiblemente debido a sus hojas grandes, coriáceas y de largos pecíolos, que no ofrecen mucho refugio ni ali-



mento a los insectos. Evidentemente las especies vegetales presentes en un ambiente determinan el tipo de presa que se encuentra sobre ellas y, por su estructura, la accesibilidad a dichas presas; estos factores a su vez establecen qué especies de aves se encontrarán y con qué densidad poblacional. Desde el punto de vista conservacionista se hace necesario con-

trolar las especies exóticas que, como en el caso del ligustro, no ofrecen buenas posibilidades de alimentación a las aves, a la vez que compiten con las especies forestales nativas.

CUETO, V. R. y J. LÓPEZ DE CASENAVE. 2002. Foraging behavior and microhabitat use of birds inhabiting coastal woodlands in Eastcentral Argentina. Wilson Bulletin, 114 (3): 342-348.

Aves del pastizal se refugian en las pampas de San Luis

Los pastizales semiáridos de San Luis y La Pampa, en el límite oeste de la región de las pampas, constituyen áreas donde el impacto agrícola es menor debido a las restricciones de clima y suelo que han limitado dicha actividad. El pastizal está dominado por el pasto *Sorghastrum pellitum*, formando un "sorgastral", que cuando está sometido al forrajeo es reemplazado por un pastizal mixto con predominio

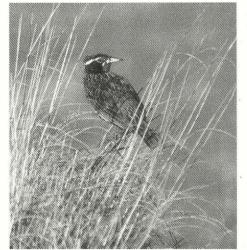
espartillo (Elionurus muticus), que posee mayor diversidad vegetal. Ambas especies son gramíneas perennes tipo "tussock" de manera que la fisonomía es similar en los dos casos. Existen pocos estudios sobre la composición y dinámica estacional de la avifauna de estos pastizales, lo cual ha motivado este trabajo desarrollado mediante la técnica de censos por transectas. Se registraron 22 especies de las cuales 12 son exclusivamente de pastizal y el resto pertenecen al ámbito

arbóreo o son generalistas. La cachirla trinadora (Anthus chacoensis), insectívora, fue la especie más abundante (30%), seguida por la omnívora loica común (Sturnella loyca) (23%) y el cachilo ceja amarilla (Ammodramus humeralis) (16%), una especie granívora.

La baja riqueza en aves, comparada por ejemplo con la pampa húmeda, puede explicarse por la estructura vegetal monótona y simple, las escasas precipitaciones, el déficit anual de agua y la amplia variación térmica. La riqueza y abundancia fueron significativamente mayores en primavera y verano, y en el pastizal mixto respecto del sorgastral, revelando la influencia de las temperaturas y la heterogeneidad de la vegetación en la composición de la avifauna. Los insectívoros y omnívoros se vieron favorecidos en la época cálida, mientras que en otoño e invier-

no la mayor disponibilidad de semillas determina un predominio de los granívoros. Otras especies se ven obligadas a hacer movimientos estacionales para obtener alimento.

Con estos datos se ve ampliada la distribución de la cachirla trinadora, considerada típica de la provincia ornitogeográfica del Chaco, y que aquí aparece con abundancia relativa alta. Se destaca la importancia de estos pastizales para su conservación ya que es considerada especie casi amenazada en 1994. Se hace ur-



Loica común

F. Erize

gente el establecimiento de áreas protegidas en esta región, donde también están presentes otras especies amenazadas como el ñandú (*Rhea americana*), sobre todo teniendo en cuenta que el 25% de los 4.000 km² de pastizales de este tipo ya fue reemplazado por cultivos.

ISACCH, J. P., M. S. BO, N. O. MACEIRA, M. R. DEMARÍA y S. PELUC. 2003. Composition and seasonal changes of the bird community in the West Pampa Grasslands of Argentina. Journal Field Ornithology, 74 (1): 59-65.

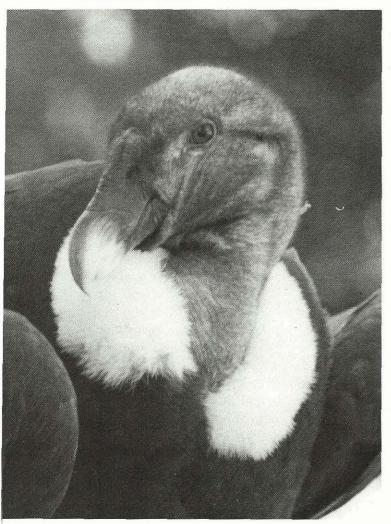


El cóndor andino tiene poca variabilidad genética

El cóndor andino (*Vultur gryphus*) constituye una especie modelo para el estudio de la variabilidad genética debido a que por sus características (tamaño, tasa reproductiva, nicho ecológico) se encuentra dentro de las especies de menor variabilidad, presenta un área de distribución notablemente extensa y posee dos grupos poblacionales definidos por factores zoogeográficos: una población septentrional de baja densidad propia de los páramos de la mitad norte de los Andes, con un hábitat fragmentado, y una población meridional de la Puna, costas y de-

cóndor andino hembra

P. Placeres



siertos del sur del continente.

Dado que se trata de una especie protegida sólo se obtuvieron muestras de especímenes de zoológicos, museos y programas de recuperación. Las muestras fueron procesadas para obtener ADN mitocondrial y de la subunidad 12S ribosomal; estas porciones son seleccionadas por su mayor estabilidad con respecto al ADN nuclear. La diversidad hallada de nucleótidos y de haplotipos fue sumamente baja y sólo se pudieron definir cinco haplotipos distintos. La diversidad genética entre ambas poblaciones fue baja indicando que el ADN mitocondrial no estaría reflejando las diferencias ecológicas y el grado de aislamiento geográfico de ambas poblaciones del cóndor. Sin embargo el hecho de que se registraran diferencias significativas en las frecuencias de los haplotipos entre las poblaciones norteñas y sureñas permitiría extraer la conclusión provisoria de que las mismas podrían estar evolucionando en alguna forma.

Comparado con otras aves el cóndor muestra una menor variabilidad, semejante a la observada en algunas especies que han atravesado recientemente por un "cuello de botella" de decrecimiento poblacional. Esta baja variabilidad es expectable en grandes predadores o carroñeros como el cóndor que tienen poblaciones reducidas, grandes territorios fragmentados o lineales y una tasa reproductiva baja. Por otro lado, las especies como ésta, de gran masa corporal, tienen una tasa metabólica reducida y por ello es también menor la tasa de mutaciones que proporcionan "materia prima" para los cambios evolutivos. Dentro de las complejidades del análisis genético, que por el momento sólo permite formar conclusiones provisorias, debe destacarse su aporte indudable a la interpretación de los procesos de declinación poblacional provocados tanto por causas naturales tanto como por la actividad humana.

HENDRICKSON, S. L., R. BLEIWEISS, J. C. MATHEUS, L. SILVA DE MATHEUS, N. L. JÁCOME y E. PAVEZ. 2003. Low genetic variability in the geographically widespread Andean Condor. Condor, 105: 1-12.